

TABLE S3. Results of gene-based association analyses for 396 ID-related genes with ADHD risk in the PGC ADHD meta-analytic data (n=19,210). Results for both KGG and MAGMA analyses, using a 100kb flanking region, are shown.

Symbol	EntrezID	Chromosome	KGG		MAGMA	
			# SNPs	P	# SNPs	P
<i>MEF2C</i>	4208	5	699	0.000013	546	0.0001497
<i>ST3GAL3</i>	6487	1	1189	0.0000618	776	0.00068088
<i>BBS7</i>	55212	4	628	0.000347	537	0.0013212
<i>GPR56</i>	9289	16	585	0.00278	533	0.0017071
<i>ASL</i>	435	7	594	0.000773	498	0.0025384
<i>TRAPPC9</i>	83696	8	2241	0.000000781	1979	0.0035331
<i>ARFGEF2</i>	10564	20	995	0.00927	728	0.0040172
<i>PEX26</i>	55670	22	543	0.0248	470	0.0046159
<i>GUSB</i>	2990	7	513	0.0153	431	0.0058534
<i>ALG1</i>	56052	16	321	0.00461	272	0.014585
<i>MAT1A</i>	4143	10	852	0.00515	709	0.017966
<i>LIG4</i>	3981	13	536	0.00445	451	0.019828
<i>ATR</i>	545	3	945	0.0228	591	0.021092
<i>ALG2</i>	85365	9	564	0.053	455	0.022287
<i>ABCC9</i>	10060	12	572	0.036	451	0.023248
<i>RFT1</i>	91869	3	647	0.00377	545	0.0269
<i>NDUFA11</i>	126328	19	203	0.192	179	0.027452
<i>TCF4</i>	6925	18	N/A	N/A	1016	0.027539
<i>CRBN</i>	51185	3	973	0.0185	773	0.028749
<i>KCTD7</i>	154881	7	773	0.0207	655	0.029168
<i>BSCL2</i>	26580	11	242	0.0428	181	0.031856
<i>SMOC1</i>	64093	14	1283	0.0334	1092	0.033258

<i>SLC35C1</i>	55343	11	575	0.0275	499	0.037417
<i>RMND1</i>	55005	6	817	0.117	652	0.041922
<i>NDUFS4</i>	4724	5	1371	0.0271	1009	0.045524
<i>RNASEH2A</i>	10535	19	138	0.0464	123	0.047939
<i>DIP2B</i>	57609	12	928	0.0385	662	0.049517
<i>AKT3</i>	10000	1	946	0.0626	689	0.056514
<i>CEP290</i>	80184	12	559	0.0954	378	0.057147
<i>PNP</i>	4860	14	439	0.0291	391	0.061468
<i>HRAS</i>	3265	11	213	0.223	194	0.061661
<i>ACTG1</i>	71	17	411	0.0788	349	0.063386
<i>IGF1</i>	3479	12	688	0.0228	572	0.065851
<i>SYNGAP1</i>	8831	6	706	0.4	603	0.066377
<i>ERLIN2</i>	11160	8	46	0.121	41	0.070461
<i>CDK5RAP2</i>	55755	9	633	0.0574	416	0.072062
<i>SIL1</i>	64374	5	715	0.14	473	0.073523
<i>BRAF</i>	673	7	866	0.119	624	0.073564
<i>ISPD</i>	729920	7	2441	0.0147	1753	0.074
<i>LRPPRC</i>	10128	2	1230	0.0482	1053	0.074386
<i>NF1</i>	4763	17	634	0.134	365	0.075401
<i>SOBP</i>	55084	6	1022	0.113	813	0.077303
<i>GFAP</i>	2670	17	647	0.12	523	0.084008
<i>CEP41</i>	95681	7	595	0.0234	487	0.085406
<i>NLRP3</i>	114548	1	785	0.0463	674	0.088691
<i>IER3IP1</i>	51124	18	728	0.0874	580	0.089537
<i>AP4E1</i>	23431	15	944	0.105	635	0.091539
<i>GSS</i>	2937	20	N/A	N/A	404	0.1004
<i>NDUFS3</i>	4722	11	348	0.00677	268	0.1005
<i>KCNK9</i>	51305	8	902	0.0277	728	0.1101
<i>GATAD2B</i>	57459	1	507	0.492	374	0.11025
<i>BBS2</i>	583	16	641	0.17	561	0.1119
<i>HPD</i>	3242	12	667	0.0105	540	0.1136
<i>BBS12</i>	166379	4	554	0.143	461	0.11454

<i>BCKDHA</i>	593	19	382	0.246	328	0.11596
<i>PRODH</i>	5625	22	65	0.226	57	0.11633
<i>ELOVL4</i>	6785	6	945	0.0296	802	0.11801
<i>PEX11B</i>	8799	1	143	0.142	107	0.12038
<i>DHCR24</i>	1718	1	831	0.0872	733	0.12195
<i>PEX10</i>	5192	1	201	0.123	186	0.12812
<i>TGFBR1</i>	7046	9	513	0.0737	405	0.1287
<i>L2HGDH</i>	79944	14	897	0.158	672	0.12999
<i>BBS10</i>	79738	12	546	0.122	432	0.13388
<i>NRXN1</i>	9378	2	4747	0.0182	3702	0.13911
<i>MOCS2</i>	4338	5	1080	0.0799	772	0.14082
<i>ANO10</i>	55129	3	1097	0.0158	684	0.14125
<i>ADAR</i>	103	1	502	0.0737	402	0.1454
<i>EFTUD2</i>	9343	17	755	0.172	607	0.14584
<i>PEPD</i>	5184	19	1370	0.436	1209	0.14598
<i>MAN2B1</i>	4125	19	265	0.0233	228	0.14706
<i>MGAT2</i>	4247	14	452	0.129	339	0.15295
<i>ABHD5</i>	51099	3	704	0.0626	535	0.15727
<i>D2HGDH</i>	728294	2	23	0.253	18	0.16895
<i>TUBB2B</i>	347733	6	502	0.33	416	0.17277
<i>SDHA</i>	6389	5	884	0.256	781	0.17476
<i>MKKS</i>	8195	20	946	0.0197	786	0.17502
<i>PTPN11</i>	5781	12	410	0.519	307	0.17611
<i>B3GLCT</i>	145173	13	953	0.193	694	0.1813
<i>BCKDHB</i>	594	6	1641	0.0659	1231	0.18588
<i>LARP7</i>	51574	4	540	0.0905	421	0.18605
<i>HDAC4</i>	9759	2	1260	0.118	1133	0.18615
<i>FKRP</i>	79147	19	312	0.165	278	0.18934
<i>COX15</i>	1355	10	585	0.199	390	0.19059
<i>ROGDI</i>	79641	16	592	0.217	496	0.19262
<i>HLCS</i>	3141	21	1170	0.297	1020	0.19597
<i>SCN2A</i>	6326	2	1112	0.0447	820	0.19837

<i>SERAC1</i>	84947	6	1007	0.0491	823	0.20574
<i>PPOX</i>	5498	1	411	0.553	351	0.20849
<i>AMT</i>	275	3	374	0.252	270	0.20932
<i>GALT</i>	2592	9	558	0.164	465	0.21
<i>LARGE</i>	9215	22	2912	0.281	2418	0.21022
<i>NDUFS2</i>	4720	1	479	0.488	411	0.21084
<i>MTRR</i>	4552	5	1130	0.02	960	0.21177
<i>GATM</i>	2628	15	518	0.157	322	0.21285
<i>EMX2</i>	2018	10	742	0.371	663	0.22101
<i>MTR</i>	4548	1	1124	0.331	892	0.22118
<i>SCO2</i>	9997	22	455	0.358	411	0.22187
<i>PIK3R2</i>	5296	19	588	0.231	527	0.22452
<i>DNAJC19</i>	131118	3	353	0.221	284	0.22938
<i>MBD5</i>	55777	2	1667	0.194	1298	0.23779
<i>SCN8A</i>	6334	12	827	0.244	643	0.2425
<i>TSC2</i>	7249	16	88	0.0677	77	0.24258
<i>MAP2K2</i>	5605	19	136	0.47	127	0.24392
<i>ALG9</i>	79796	11	367	0.432	287	0.24506
<i>NDUFA12</i>	55967	12	1017	0.189	870	0.24537
<i>ZNF592</i>	9640	15	647	0.189	536	0.24602
<i>ADSL</i>	158	22	351	0.268	258	0.25344
<i>TUSC3</i>	7991	8	2620	0.00851	1836	0.25765
<i>NDUFV1</i>	4723	11	372	0.0254	331	0.25962
<i>UPB1</i>	51733	22	446	0.0965	365	0.26
<i>AGA</i>	175	4	499	0.0164	398	0.26062
<i>CACNG2</i>	10369	22	898	0.337	760	0.2664
<i>SETBP1</i>	26040	18	1290	0.368	1028	0.26729
<i>ERCC8</i>	1161	5	805	0.553	628	0.27432
<i>GLI2</i>	2736	2	871	0.202	732	0.27469
<i>NKX2-1</i>	7080	14	547	0.0694	467	0.28185
<i>RELN</i>	5649	7	2938	0.184	2386	0.28492
<i>ANKH</i>	56172	5	819	0.279	688	0.28541

<i>ARID1B</i>	57492	6	839	0.0577	622	0.28814
<i>SLC25A22</i>	79751	11	186	0.447	168	0.28879
<i>VPS13B</i>	157680	8	1886	0.103	1406	0.28882
<i>SKI</i>	6497	1	404	0.328	359	0.2889
<i>CNTNAP2</i>	26047	7	9478	0.608	7554	0.29054
<i>DHCR7</i>	1717	11	948	0.267	785	0.29439
<i>PUS1</i>	80324	12	187	0.215	161	0.29483
<i>CEP152</i>	22995	15	627	0.331	466	0.2954
<i>ABCD4</i>	5826	14	340	0.434	300	0.29612
<i>MLYCD</i>	23417	16	883	0.0772	757	0.29617
<i>UBE3A</i>	7337	15	885	0.316	679	0.2973
<i>PRSS12</i>	8492	4	969	0.554	741	0.29869
<i>MYCN</i>	4613	2	458	0.291	403	0.3019
<i>CEP135</i>	9662	4	877	0.101	695	0.30362
<i>ANKRD11</i>	29123	16	969	0.225	811	0.3072
<i>SMARCA2</i>	6595	9	1295	0.052	1060	0.31686
<i>ALDH18A1</i>	5832	10	1072	0.802	897	0.31735
<i>CTDP1</i>	9150	18	702	0.0663	614	0.32399
<i>WDR62</i>	284403	19	358	0.306	312	0.32511
<i>MOCS1</i>	4337	6	777	0.254	603	0.32514
<i>CC2D1A</i>	54862	19	26	0.445	25	0.32936
<i>C5orf42</i>	65250	5	744	0.381	457	0.33386
<i>MMAA</i>	166785	4	665	0.0765	584	0.33626
<i>ALG6</i>	29929	1	707	0.251	450	0.33912
<i>PIGV</i>	55650	1	272	0.145	229	0.34012
<i>ARID1A</i>	8289	1	281	0.191	234	0.34026
<i>GCH1</i>	2643	14	838	0.333	601	0.34242
<i>GJC2</i>	57165	1	548	0.381	337	0.3439
<i>GTF2H5</i>	404672	6	987	0.0725	799	0.34673
<i>SMAD4</i>	4089	18	395	0.397	296	0.3487
<i>FBN1</i>	2200	15	1069	0.562	767	0.34961
<i>PEX5</i>	5830	12	551	0.657	472	0.34965

<i>DPYD</i>	1806	1	2396	0.636	2014	0.35117
<i>PDSS2</i>	57107	6	1106	0.541	891	0.35286
<i>CCBE1</i>	147372	18	1773	0.188	1474	0.35565
<i>ASXL1</i>	171023	20	436	0.227	324	0.35749
<i>AP4S1</i>	11154	14	715	0.429	466	0.36452
<i>MMACHC</i>	25974	1	N/A	N/A	332	0.36686
<i>CACNA1C</i>	775	12	2020	0.224	1729	0.36866
<i>DYRK1A</i>	1859	21	1039	0.423	825	0.38395
<i>AIMP1</i>	9255	4	680	0.866	422	0.38627
<i>STRA6</i>	64220	15	317	0.625	284	0.39339
<i>SLC33A1</i>	9197	3	758	0.0803	612	0.40242
<i>STIL</i>	6491	1	767	0.683	641	0.40511
<i>FOXP1</i>	27086	3	1631	0.268	1370	0.40703
<i>ALG12</i>	79087	22	442	0.557	395	0.41252
<i>SHOC2</i>	8036	10	602	0.68	450	0.41496
<i>RAB27A</i>	5873	15	1172	0.443	942	0.41674
<i>NTRK1</i>	4914	1	514	0.594	402	0.41681
<i>POLR3A</i>	11128	10	512	0.512	385	0.42103
<i>MYO5A</i>	4644	15	1394	0.484	997	0.4212
<i>FANCD2</i>	2177	3	747	0.629	643	0.42276
<i>BBS1</i>	582	11	316	0.886	270	0.42472
<i>PTEN</i>	5728	10	676	0.705	545	0.42545
<i>PDSS1</i>	23590	10	973	0.573	724	0.42556
<i>DPAGT1</i>	1798	11	418	0.414	352	0.42567
<i>PHGDH</i>	26227	1	570	0.826	482	0.43053
<i>BBS4</i>	585	15	475	0.354	306	0.43705
<i>RAB3GAP1</i>	22930	2	696	0.35	509	0.43713
<i>ZEB2</i>	9839	2	317	0.846	266	0.43914
<i>TREX1</i>	11277	3	323	0.605	197	0.44218
<i>HESX1</i>	8820	3	506	0.727	355	0.45103
<i>MCOLN1</i>	57192	19	433	0.562	387	0.45638
<i>GNS</i>	2799	12	479	0.116	387	0.45895

<i>GRIN2B</i>	2904	12	2398	0.297	1940	0.45966
<i>SLC25A15</i>	10166	13	828	0.158	702	0.45996
<i>DOCK8</i>	81704	9	2008	0.863	1636	0.46165
<i>ERCC3</i>	2071	2	726	0.288	572	0.46197
<i>PYCR1</i>	5831	17	25	0.5	20	0.46403
<i>AP3B1</i>	8546	5	1593	0.383	1123	0.4656
<i>FKTN</i>	2218	9	683	0.494	555	0.46686
<i>RAB18</i>	22931	10	962	0.642	771	0.46732
<i>POMGNT1</i>	55624	1	326	0.759	271	0.47314
<i>TECR</i>	9524	19	205	0.00967	181	0.47705
<i>POC1A</i>	25886	3	261	0.423	204	0.47942
<i>FH</i>	2271	1	597	0.367	514	0.48904
<i>HOXA1</i>	3198	7	292	0.665	239	0.4908
<i>DYM</i>	54808	18	1778	0.829	1369	0.49115
<i>UBR1</i>	197131	15	528	0.788	291	0.49262
<i>ACVR1</i>	90	2	414	0.789	338	0.49437
<i>CTNNB1</i>	1499	3	660	0.641	418	0.4985
<i>SYT14</i>	255928	1	1505	0.488	1011	0.49862
<i>SRCAP</i>	10847	16	138	0.374	102	0.49922
<i>NIPBL</i>	25836	5	907	0.593	553	0.50087
<i>KIAA1279</i>	26128	10	N/A	N/A	601	0.50361
<i>NSUN2</i>	54888	5	1230	0.42	1053	0.50526
<i>GPHN</i>	10243	14	3312	0.739	2557	0.50623
<i>ZIC2</i>	7546	13	517	0.429	456	0.50706
<i>ATP6V0A2</i>	23545	12	845	0.479	684	0.50738
<i>GRIN2A</i>	2903	16	3028	0.553	2435	0.51047
<i>DLD</i>	1738	7	612	0.704	505	0.51481
<i>FRAS1</i>	80144	4	2707	0.76	2076	0.51753
<i>SOX10</i>	6663	22	315	0.319	203	0.51961
<i>DMPK</i>	1760	19	277	0.402	242	0.51962
<i>RNASEH2B</i>	79621	13	377	0.119	325	0.5231
<i>SMARCB1</i>	6598	22	829	0.754	697	0.52705

<i>ALG3</i>	10195	3	426	0.576	325	0.52736
<i>SPRED1</i>	161742	15	985	0.603	754	0.5288
<i>KRAS</i>	3845	12	913	0.29	693	0.53759
<i>RNASEH2C</i>	84153	11	511	0.519	412	0.53926
<i>ADCK3</i>	56997	1	1017	0.672	735	0.54038
<i>PNKP</i>	11284	19	168	0.497	137	0.54231
<i>BCS1L</i>	617	2	408	0.734	313	0.54739
<i>SMARCA4</i>	6597	19	554	0.714	487	0.54843
<i>CDH15</i>	1013	16	696	0.598	637	0.55022
<i>CA2</i>	760	8	474	0.598	291	0.55328
<i>MAP2K1</i>	5604	15	1150	0.806	866	0.55855
<i>FOXG1</i>	2290	14	367	0.613	300	0.56053
<i>LAMA2</i>	3908	6	2607	0.631	1984	0.56105
<i>NAGLU</i>	4669	17	376	0.478	306	0.56294
<i>CCDC78</i>	124093	16	82	0.677	74	0.56923
<i>HAX1</i>	10456	1	479	0.619	332	0.5769
<i>RAI1</i>	10743	17	631	0.755	495	0.57695
<i>MANBA</i>	4126	4	825	0.45	609	0.57934
<i>B4GALT1</i>	2683	9	907	0.594	765	0.58124
<i>BUB1B</i>	701	15	315	0.549	276	0.5821
<i>TUBA1A</i>	7846	12	296	0.506	257	0.58476
<i>ATP1A2</i>	477	1	N/A	N/A	393	0.58671
<i>PEX7</i>	5191	6	790	0.922	575	0.58894
<i>DARS2</i>	55157	1	576	0.173	377	0.59074
<i>SHH</i>	6469	7	473	0.81	389	0.59457
<i>TGFBR2</i>	7048	3	1172	0.223	912	0.59538
<i>CYB5R3</i>	1727	22	448	0.852	398	0.59762
<i>AP4B1</i>	10717	1	422	0.616	325	0.60086
<i>CDON</i>	50937	11	1074	0.428	919	0.60124
<i>PCNT</i>	5116	21	1363	0.95	1116	0.60493
<i>MMADHC</i>	27249	2	644	0.715	426	0.6093
<i>POLR3B</i>	55703	12	991	0.0894	797	0.61013

<i>ACSF3</i>	197322	16	635	0.702	585	0.6123
<i>MRPS22</i>	56945	3	529	0.883	423	0.61276
<i>PAFAH1B1</i>	5048	17	538	0.668	472	0.61355
<i>PLCB1</i>	23236	20	3186	0.569	2711	0.61533
<i>ERCC2</i>	2068	19	N/A	N/A	189	0.61584
<i>KIF7</i>	374654	15	609	0.643	488	0.61976
<i>MCCC1</i>	56922	3	770	0.629	588	0.62289
<i>XPA</i>	7507	9	509	0.859	381	0.62532
<i>KIF11</i>	3832	10	854	0.571	690	0.6255
<i>MUT</i>	4594	6	823	0.746	605	0.62728
<i>DYNC1H1</i>	1778	14	726	0.137	601	0.6281
<i>DPM1</i>	8813	20	447	0.825	368	0.63472
<i>SURF1</i>	6834	9	910	0.925	813	0.63662
<i>EP300</i>	2033	22	545	0.809	453	0.63682
<i>SOS1</i>	6654	2	842	0.628	517	0.63694
<i>THRB</i>	7068	3	1583	0.881	1352	0.63705
<i>PTCH1</i>	5727	9	678	0.963	577	0.63706
<i>NBN</i>	4683	8	722	0.871	491	0.63792
<i>AHCY</i>	191	20	382	0.657	263	0.63825
<i>GAMT</i>	2593	19	12	0.503	6	0.63875
<i>NDUFS7</i>	374291	19	12	0.503	6	0.63875
<i>STXBP1</i>	6812	9	455	0.483	397	0.64046
<i>DNMT3B</i>	1789	20	851	0.799	691	0.64948
<i>GCSH</i>	2653	16	853	0.922	663	0.65
<i>MED17</i>	9440	11	716	0.476	581	0.65007
<i>ERCC6</i>	2074	10	822	0.37	629	0.65031
<i>PACS1</i>	55690	11	808	0.635	632	0.65075
<i>FTO</i>	79068	16	1707	0.63	1392	0.65637
<i>APTX</i>	54840	9	1037	0.694	856	0.65755
<i>GALE</i>	2582	1	245	0.682	186	0.659
<i>JAM3</i>	83700	11	706	0.87	524	0.66432
<i>COQ2</i>	27235	4	623	0.218	545	0.6706

<i>OCLN</i>	100506658	5	122	0.527	95	0.67163
<i>AUH</i>	549	9	1049	0.914	898	0.67311
<i>MCCC2</i>	64087	5	822	0.618	646	0.67598
<i>PEX13</i>	5194	2	426	0.944	345	0.67886
<i>LAMC3</i>	10319	9	367	0.883	307	0.68614
<i>SMPD1</i>	6609	11	246	0.591	218	0.69029
<i>RARS2</i>	57038	6	1056	0.925	737	0.69492
<i>EIF2AK3</i>	9451	2	660	0.724	535	0.69524
<i>RPGRIP1L</i>	23322	16	786	0.725	648	0.69857
<i>EHMT1</i>	79813	9	612	0.804	510	0.70858
<i>CENPJ</i>	55835	13	1091	0.975	925	0.70892
<i>TSC1</i>	7248	9	613	0.886	524	0.70925
<i>ETHE1</i>	23474	19	439	0.644	383	0.71913
<i>NPHP1</i>	4867	2	141	0.961	121	0.7193
<i>IDUA</i>	3425	4	493	0.922	433	0.71945
<i>ALDH3A2</i>	224	17	410	0.728	338	0.72135
<i>ACTB</i>	60	7	446	0.737	406	0.72145
<i>SRD5A3</i>	79644	4	908	0.801	706	0.72323
<i>NEU1</i>	4758	6	545	0.444	476	0.72333
<i>SLC12A6</i>	9990	15	964	0.363	794	0.72467
<i>SLC17A5</i>	26503	6	957	0.773	761	0.72562
<i>FUCA1</i>	2517	1	169	0.824	126	0.72637
<i>COG8</i>	84342	16	504	0.801	392	0.7271
<i>MED23</i>	9439	6	617	0.968	518	0.72892
<i>GRIK2</i>	2898	6	N/A	N/A	2087	0.73549
<i>PIGO</i>	84720	9	442	0.974	362	0.74494
<i>KCNQ2</i>	3785	20	264	0.695	241	0.74542
<i>TMCO1</i>	54499	1	747	0.61	610	0.74548
<i>SLC4A4</i>	8671	4	1426	0.71	1073	0.7468
<i>NSD1</i>	64324	5	843	0.767	703	0.74976
<i>BBS5</i>	129880	2	765	0.812	592	0.75019
<i>COL4A1</i>	1282	13	860	0.65	760	0.7508

<i>FGFR2</i>	2263	10	859	0.857	692	0.7511
<i>ATP2A2</i>	488	12	620	0.633	509	0.75569
<i>EPB41L1</i>	2036	20	289	0.428	224	0.75745
<i>NDUFS1</i>	4719	2	736	0.582	579	0.7651
<i>TBC1D24</i>	57465	16	150	0.84	138	0.76732
<i>TMEM165</i>	55858	4	885	0.699	672	0.76807
<i>KIRREL3</i>	84623	11	2404	0.317	2101	0.76896
<i>TAT</i>	6898	16	530	0.992	401	0.7716
<i>PAX6</i>	5080	11	396	0.999	320	0.77172
<i>MPDU1</i>	9526	17	585	0.972	510	0.77833
<i>CC2D2A</i>	57545	4	1071	0.995	836	0.78259
<i>INPP5E</i>	56623	9	N/A	N/A	343	0.78488
<i>GNPAT</i>	8443	1	605	0.692	485	0.7874
<i>AK1</i>	203	9	256	0.837	232	0.79224
<i>DDHD2</i>	23259	8	195	0.837	148	0.79255
<i>PVRL1</i>	5818	11	788	0.903	691	0.79356
<i>ESCO2</i>	157570	8	1245	0.989	863	0.79592
<i>TGIF1</i>	7050	18	384	0.923	316	0.79826
<i>SUOX</i>	6821	12	214	0.784	149	0.80018
<i>TBCE</i>	6905	1	964	0.494	764	0.80263
<i>BLM</i>	641	15	608	0.484	511	0.80284
<i>COL4A2</i>	1284	13	1561	0.958	1377	0.81148
<i>PIGN</i>	23556	18	1656	1	1344	0.81664
<i>RBM28</i>	55131	7	407	0.941	366	0.8181
<i>PC</i>	5091	11	388	0.869	285	0.8187
<i>NAGA</i>	4668	22	594	0.534	446	0.81917
<i>RAD21</i>	5885	8	677	0.926	519	0.82575
<i>KCNJ11</i>	3767	11	630	0.749	547	0.83518
<i>TMEM231</i>	79583	16	700	0.976	550	0.83986
<i>SIX3</i>	6496	2	863	0.895	758	0.84347
<i>LRP2</i>	4036	2	1130	0.95	941	0.8444
<i>COG7</i>	91949	16	477	0.862	393	0.84641

<i>POMT2</i>	29954	14	922	0.993	767	0.85018
<i>ARL6</i>	84100	3	379	0.98	291	0.85048
<i>KCNT1</i>	57582	9	570	0.988	516	0.86095
<i>PMM2</i>	5373	16	955	0.82	767	0.86325
<i>ALDH5A1</i>	7915	6	1395	0.976	1129	0.86436
<i>ACO2</i>	50	22	477	0.932	361	0.86465
<i>NDUFS8</i>	4728	11	254	0.921	229	0.86732
<i>KAT6B</i>	23522	10	896	0.94	679	0.86835
<i>NDE1</i>	54820	16	825	0.682	636	0.87191
<i>PANK2</i>	80025	20	548	0.953	450	0.87317
<i>DHTKD1</i>	55526	10	702	0.87	612	0.87481
<i>BIVM-ERCC5</i>	100533467	13	812	0.985	646	0.87721
<i>ASPA</i>	443	17	557	0.802	455	0.88161
<i>CREBBP</i>	1387	16	385	0.59	345	0.88333
<i>DHFR</i>	1719	5	993	0.978	791	0.88364
<i>TTC8</i>	123016	14	795	0.847	622	0.88761
<i>DBT</i>	1629	1	757	0.975	516	0.89141
<i>GLDC</i>	2731	9	1262	0.99	1074	0.89223
<i>POMT1</i>	10585	9	612	0.954	499	0.89472
<i>ACOX1</i>	51	17	391	0.752	324	0.89531
<i>VLDLR</i>	7436	9	1096	0.983	868	0.89926
<i>RAF1</i>	5894	3	937	0.996	728	0.89927
<i>COG1</i>	9382	17	429	0.987	371	0.9023
<i>SATB2</i>	23314	2	691	0.835	479	0.90254
<i>SLC2A1</i>	6513	1	534	0.994	442	0.9027
<i>COLEC11</i>	78989	2	502	0.997	440	0.9038
<i>SNAP29</i>	9342	22	612	0.994	467	0.90543
<i>ORC1</i>	4998	1	400	0.857	212	0.90979
<i>CBS</i>	875	21	859	0.993	739	0.90986
<i>SCN1A</i>	6323	2	1454	0.999	1061	0.91563
<i>FGFR3</i>	2261	4	234	0.87	209	0.91898
<i>ACAD9</i>	28976	3	809	0.981	659	0.93143

<i>GAD1</i>	2571	2	810	0.991	609	0.9316
<i>MAN1B1</i>	11253	9	117	0.819	92	0.93642
<i>CHD7</i>	55636	8	1073	0.997	747	0.93973
<i>ASPM</i>	259266	1	811	0.99	373	0.94186
<i>PEX1</i>	5189	7	453	0.951	362	0.94269
<i>TMEM67</i>	91147	8	599	0.974	427	0.94332
<i>GRIN1</i>	2902	9	49	0.863	31	0.94713
<i>AHI1</i>	54806	6	773	0.987	536	0.95174
<i>MCPH1</i>	79648	8	2553	1	2066	0.95217
<i>AGPAT2</i>	10555	9	56	0.963	45	0.95552
<i>TMEM237</i>	65062	2	664	0.984	569	0.96183
<i>SALL1</i>	6299	16	410	0.996	354	0.96535
<i>GNAS</i>	2778	20	655	0.93	533	0.97061
<i>GLI3</i>	2737	7	1336	0.968	1152	0.9746
<i>SMC3</i>	9126	10	853	1	664	0.97766
<i>ARL13B</i>	200894	3	191	0.987	145	0.98066
<i>MVK</i>	4598	12	745	0.999	624	0.99153
<i>BBS9</i>	27241	7	2468	1	1937	0.99834
<i>CHKB-CPT1B</i>	386593	22	420	0.24	N/A	N/A
<i>SOX2-OT</i>	347689	3	531	0.31	N/A	N/A
<i>RAB3GAP2</i>	6791	1	841	0.908	N/A	N/A
<i>B4GALT7</i>	11285	5	6	N/A	N/A	N/A

N/A: no gene-based result obtained for this gene.